

20.5.2017

WG: Baumgartner, Leopold Hund Deutsche Dogge - wolffhowling1989@gmail.com - Gmail

—Ursprüngliche Nachricht—

Von: befund@laboklin.de [mailto:befund@laboklin.de]

Gesendet: Freitag, 24. Februar 2017 10:21

An: christine.plattner@aon.at

Betreff: Baumgartner, Leopold Hund Deutsche Dogge

Tierärztin
Christine Plattner
Pragerstr. 16
2011 Siemdorf
Österreich

LABOKLIN GmbH&CoKG
Steubenstraße 4
DE-97688 Bad Kissingen
Fax-Nr.: [+49 971-68546](tel:+4997168546)
Tel-Nr.: [+49 971-72020](tel:+4997172020)

Untersuchungsbefund
Nr.: 1702-A-07218
Datum Eingang: 17-02-2017
Datum Befund: 24-02-2017

Angaben zum Patienten: Hund weiblich 1,9 Jahre
Deutsche Dogge
Patientenbesitzer: Baumgartner, Leopold
Probenmaterial: EDTA-Blut
Probenentnahme: 15-02-2017

Name: Good Blueberry von Bismarck-Blue
ZB-Nummer: DD 5343
Chip-Nummer: 900096000087641
Täto-Nummer: —

Degenerative Myelopathie - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N (Exon 2)

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht den Hochrisikofaktor für DM im Exon 2 des SOD1-Gens.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Bitte beachten Sie: In der Rasse Berner Sennenhund tritt auch die Mutation im Exon 1 des SOD1-Gens im Zusammenhang mit DM auf.

Erbliche Myopathie (CNM) - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für die cnm-Myopathie im BIN1-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Eine Korrelation zwischen dieser Mutation und der Erkrankung wurde bisher

bei folgenden Rassen beschrieben: Deutsche Dogge Dieser Test dient zum Nachweis der zentronukleären Myopathie (cnm); Andere Formen der Myopathie werden nicht erfasst.

Hyperurikosurie - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für HUU im SLC2A9-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Maligne Hyperthermie (MH) - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für MH im RYR1-Gen.

Erbgang: autosomal-dominant

D-Lokus (Dilution, Fellfarbverdünnung) - PCR

Ergebnis: Genotyp d/d

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das d-Allel.

Der Test erfasst die Allele D und d.
Allelische Reihe: D dominant über d

Das Ergebnis gilt nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2005 (ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

*** ENDE des Befundes ***

Hr.Dr. Beitzinger
Dipl.-Biol. Molekularbiologie

—Ursprüngliche Nachricht—

Von: befund@laboklin.de [mailto:befund@laboklin.de]

Gesendet: Dienstag, 14. März 2017 11:52

An: christine.plattner@aon.at

Betreff: Baumgartner, Leopold Hund Deutsche Dogge

Tierärztin
Christine Plattner
Pragerstr. 16
2011 Sierndorf
Österreich

LABOKLIN GmbH&CoKG
Steubenstraße 4
DE-97688 Bad Kissingen
Fax-Nr.: [+49 971-68546](tel:+4997168546)
Tel-Nr.: [+49 971-72020](tel:+4997172020)

Untersuchungsbefund
Nr.: 1703-A-80276
Datum Eingang: 09-03-2017
Datum Befund: 14-03-2017

Angaben zum Patienten: Hund weiblich 1,9 Jahre
Deutsche Dogge
Patientenbesitzer: Baumgartner, Leopold
Probenmaterial: EDTA-Blut
Probenentnahme: 15-02-2017

Nachbestellung vom 09.03.2017 zu Befund-Nr. 1702-A-07218 Originalprobe
eingegangen am: 17.02.2017

Name: Good Blueberry von Bismarck-Blue
ZB-Nummer: DD 5343
Chip-Nummer: 900096000087641
Täto-Nummer: —

K-Lokus - PCR

Ergebnis: Genotyp Kb/Kb

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Kb-Allel.

Der Test erfasst die Allele Kb und ky.
Allelische Reihe: Kb dominant über ky

K-Lokus (brindle)

Bitte beachten Sie: ab sofort bietet LABOKLIN keinen Versand der Proben für den brindle-Genetest mehr an.
Es gibt die Möglichkeit den Test auf K-Lokus bei uns im Haus durchzuführen, hierbei wird allerdings nur auf die Allele KB und ky getestet. Es kann von diesem Ergebnis keine Aussage über das Vorhandensein oder die Abwesenheit des kbr (brindle) Allels getroffen werden.